云南假百合属核型研究*

虞泓 黄瑞复 臧玉洁

(云南大学生物系,昆明 650091)

(云南大学进化生态学研究实验室, 昆明 650091)

摘要 本文对云南假百合属的 2 种 5 个居群作了核型研究,其中包括部分组织培养的实验材料。结果如下:

- 1. 假百合 Notholirion bulbuliferum (Lingelsh) Stearn
 - 1) 中甸碧塔海居群

K.F.	K.T.	As.K.%
2n = 2x = 24 = 2m + 2sm + 14st + 6t	3B	81.34
2n = 2x = 24 = 2m + 2sm + 10st + 10t	3 A	84.11
组培 2n=2x=24=2m+2sm+10st+10t	3B	83.05
组培 2n=4x=48=5m+2sm+15st+26t	3 B	82.21
组培 2n=4x=48=5m+2sm+26st+15t	3B	81.58
2) 中甸大雪山居群 *		
2n = 2x = 24 = 2m + 8st + 14t	3B	84.14
2n = 2x = 24 = 2m + 1sm + 9st + 12t	3B	83.65
2n = 2x = 24 = 2m + 2sm + 12st + 8t	3A	82.78
2. 钟花假百合 N. campanulatum Cotton et Stearn		
3) 宁蒗小雪山居群		
2n = 2x = 24 = 2m(2SAT) + 2sm + 8st(2SAT) + 12t	3B	81.33
2n = 2x = 24 = 3m(2SAT) + 1sm + 8st(3SAT) + 12t	3B	79.69
组培 $2n = 2x = 24 = 2m(2SAT) + 4sm + 6st + 12t$	3B	81.32
4) 维西维登居群		
组培 $2n = 2x = 24 = 2m + 1sm + 9st(2SAT) + 12t$	3 A	82.15
组培 $2n = 2x = 24 = 2m + 3sm + 8st(SAT) + 11t$	3B	81.62
5) 贡山东哨房居群		
2n = 2x = 24 = 4m(2SAT) + 10st(4SAT) + 10t	3B	81.28
2n = 2x = 24 = 2m(2SAT) + 2sm + 6st + 14t	3B	81.76
2n = 3x = 36 = 2m + 3sm + 10st(SAT) + 21t	3B	85.41
2n = 3x = 36 = 3m + 2sm + 13st + 18t	3B	82.73
2n = 3x = 36 = 3m + 2sm + 13st + 18t	3B,	82.32
	•	

[•]国家自然科学基金(39170063)和中国科学院植物研究所系统与进化开放研究实验室资助 1995-05-31 收稿, 1995-12-06 修回

可以看出,假百合属其染色体系统不稳定,种间分化较明显,种内分化剧烈,居群内存在丰富的染色体多态性,居群间存在明显的核型多型性。假百合属植物的进化常通过染色体倍性变异 和结构变异来实现。

关键调 假百合属,云南,核型,居群

A KARYOTYPICAL STUDY IN NOTHOLIRION FROM YUNNAN

YU Hong, HUANG Rui-Fu, ZANG Yu-Jie

(Biology Department, Yunnan University, Kunming 650091)

(Laboratory of Evolutionary Ecology, Yunnan University, Kunming 650091)

Abstract Five populations of two taxa of *Notholirion* from Yunnan were karyotypically studied, including some experimental material from culture. The results are summarized as follows:

1. Notholirion bulbuli ferum (Lingelsh) Stearn

1) Bitahai population from Zhongdian

K.F.	K.T.	As.K.%
2n = 2x = 24 = 2m + 2sm + 14st + 6t	3 B	81.34
2n = 2x = 24 = 2m + 2sm + 10st + 10t	3A	84.11
culture $2n = 2x = 24 = 2m + 2sm + 10st + 10t$	3B	83.05
culture $2n = 4x = 48 = 5m + 2sm + 15st + 26t$	3B	82.21
culture $2n = 4x = 48 = 5m + 2sm + 26st + 15t$	3 B	81.58
2) Daxueshan population from Zhongdian		
2n = 2x = 24 = 2m + 8st + 14t	3 B	84.14
2n = 2x = 24 = 2m + 1sm + 9st + 12t	3B	83.65
2n = 2x = 24 = 2m + 2sm + 12st + 8t	3A	82.78
2. N. campanulatum Cotton et Stearn		
3) Xiaoxueshan population from Ninlang		
2n = 2x = 24 = 2m(2SAT) + 2sm + 8st(2SAT) + 12t	3B	81.33
2n = 2x = 24 = 3m(2SAT) + 1sm + 8st(3SAT) + 12t	3 B	79.69
culture $2n = 2x = 24 = 2m(2SAT) + 4sm + 6st + 12t$	3 B	81.32
4) Viden population from Vixi		
culture $2n = 2x = 24 = 2m + 1sm + 9st(2SAT) + 12t$	3A	82.15
culture $2n = 2x = 24 = 2m + 3sm + 8st(SAT) + 11t$	3B	81.62
5) Dongshaofang population from Gongshan		
2n = 2x = 24 = 4m(2SAT) + 10st(4SAT) + 10t	3B	81.28
2n = 2x = 24 = 2m(2SAT) + 2sm + 6st + 14t	3B	81.76
2n = 3x = 36 = 2m + 3sm + 10st(SAT) + 21t	3B	85.41
2n = 3x = 36 = 3m + 2sm + 13st + 18t	3B	82.73
2n = 3x = 36 = 3m + 2sm + 13st + 18t	3B	82.32

Above all, the chromosomal system is not stable in *Notholirion*. The interspecific differentiation is obvious between species. The intraspecific differentiation is terribly astonishing. There are rich polymorphism of chromosomes in population There are obvious polytypism of karyotypes between population. In *Notholirion*, the evolution is performed by number variation and structral aberration in chromosome.

Key words Notholirion, Yunnan, Karyotype, Population

假百合属 Notholirion Wall. ex Boiss 隶属于百合科百合族,全属共 4 种,我国有 3 种 ^[1]。梁松筠 ^[2]认为该属有 5 种,我国有 3 种,集中分布于喜马拉雅至我国西南部,另外 2 种分布于伊朗、阿富汗和喜马拉雅,其分布区在伊朗—土兰区内,该属为西亚—喜马拉雅—中国西南区分布类型。我国 3 种假百合分布于中国—喜马拉雅区,位于百合属分布区边缘,并与豹子花属分布区相重叠。假百合属在我国分化十分剧烈 ^[3]。吴征镒和李恒等 ^[4]认为横断山区是假百合属的起源地和分化中心。该属植物已做过染色体计数和核型报道 ^[5—7]。云南共有假百合植物 3 种,主要分布于横断山区海拔 2800—4500 m 的草甸、灌丛、林缘、林下和溪边。本文研究云南的 2 种假百合共 5 个居群的核型,目的在于进一步探讨其遗传多样性及其进化趋势。

材料与方法

实验用材料均采自滇西北横断山区 (表 1)。引种于云南大学校园 (海拔 1890 m),引种后植株退化变小。部分材料通过组织培养提供实验。每份材料用于核型实验的个体数均在 10 个或 10 个以上。本文中所描述的核型,为居群内多态性的代表。凭证标本存放于云南大学生物系标本室。

采用植物染色体常规压片法 (8)。 取鳞茎,小鳞茎和种子萌发根尖,在 0.05% 秋水仙 碱溶液中低温 (4)0 处理 28—30 h,用 Cannoy 固定液固定 8—12 h,转入 70% 的酒精中保存,制片时用 1 mol/L HCl 在室温(约 2000)下解离根尖 5—7 min,水洗净后,卡宝

表 1 实验材料来源

Table 2	The origin of	the experimental	material
---------	---------------	------------------	----------

种 名	产地	生境及海拔	标本号	备注	
species	localities	habitat and altitude	vouchers	others	
假百合	中甸: 碧塔海	灌丛、林缘、溪边	YH930901504	部分组培*	
Notholirion bulbuliferum		34003500 m		蒴果内种子	
(Lingelsh) Stearn	中甸: 大雪山	灌丛、流石滩	Yh9306011	受精率 72%	
		36004500 m		种子萌发率 90%	
钟花假百合	宁蒗: 小雪山	灌丛, 草甸 3500 m	YH9306018	部分组培	
Notholirion campanulatum	维西: 维登	灌丛 3600 m	F93011	全部组培	
Cotton et Stearn	贡山: 东哨房	灌丛 3500 m	YH89090		

^{*}组培材料用小鳞茎, 组培 90 d 后取生长根尖用于核型实验, MS 培养基加入激素: BA (0.5—1.5 mg/L), NAA (0.5—1.0 mg/L), GAS (0.5—1.0 mg/L)。



图 1 假百合碧塔海居群静止核、分裂前期和中期染色体形态

Fig. 1 Photomicrographs of chromosomes at interphase, prophase, and metaphase in the tip cell of Bitahai population from Zhongdian in Notholirion bulbuli grum.

A. metaphase (× 1080); B. metaphase (×890); C. metaphase (×970, culture); F. interphase (×850);

G. prophase (×880)

品红染色,压片。核型分析按李懋学和陈瑞阳 $^{[9]}$ 的标准。核型类型划分按 Stebbins $^{[10]}$ 的分类标准。核型不对称系数(As.K% = 长臂总长/全组染色体总长× $^{[11]}$ 的方法,比值越大,越不对称。

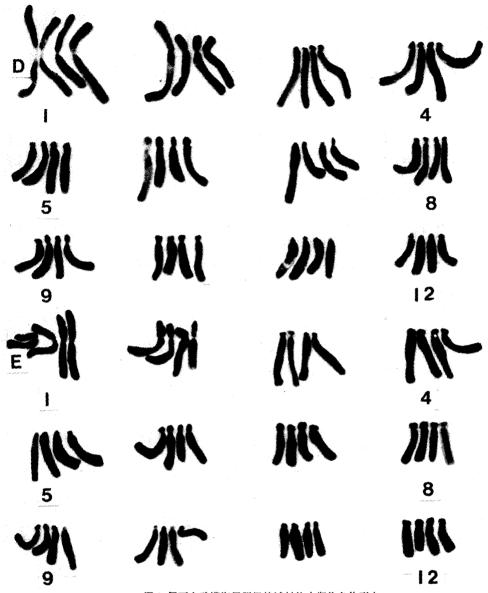


图 2 假百合碧塔海居群组培试材的中期染色体形态

Fig. 1 Photomicrographs of chromosomes metaphase in the root tip cell of Bitahai population from Zhongdian in Notholirion bulbuli ferum.

D. metaphase $(4x = 48, \times 960)$; E. metaphase $(4x = 48, \times 960)$

观察结果

假百合属植物的间期核(图 1: F),按 Tanaka, R. $^{[12]}$ 的分类划分,属于复杂中央微粒型。分裂前期染色体的构型(图 1: G),按 Tanaka, R. $^{[13]}$ 的分类划分,属于中间型。

1. 假百合 N. bulbuliferum (Lingelsh) Stearn

1) 中甸碧塔海居群

核型A 图1: A 图3: A

核型公式 2n = 2x = 24 = 2m + 2sm + 14st + 6t. 染色体组实际总长度约 $145.58~\mu m$,最长染色体实际长度 $17.53~\mu m$,最短染色体实际长度 $8.31~\mu m$ 。染色体长度比 2.11,核型类型 3B型, As.K%值 81.34。核型中第 1,2,3和 7对两同源染色体不等长。

核型B 图1: B 图3: B

核型公式 2n=2x=24=2m+2sm+10st+10t. 染色体组实际总长度约 $142.33~\mu m$,最长 染色体实际长度 $16.02~\mu m$,最短染色体实际长度 $8.52~\mu m$ 。染色体长度比 1.88。核型类型 3A 型。As.K% 值 84.11。核型中第 1,2,3 和 7 对两同源染色体不等长。

小鳞茎经组织培养后,染色体加倍现象明显增加,在观察的 36 个中期细胞中,二倍体细胞有 12 个,占 1/3,四倍体细胞有 24 个,占 2/3。

核型 C 图 1: C 图 3: C 组培试材

核型公式 2n=2x=24=2m+2sm+10st+10t. 染色体组实际总长度约 $167.84~\mu m$,最长 染色体实际长度 $19.59~\mu m$,最短染色体实际长度 $7.24~\mu m$ 。染色体长度比为 2.64。核型类型 3B 型。As.K% 值 83.05。核型中第 1, 2, 5, 7 和 12 对两同源染色体不等长。

核型 D 图 2: D 图 3: D 组培试材

核型公式 2n=4x=48=5m+2sm+15st+26t. 染色体组实际总长度 $165.20~\mu m$,最长 染色体实际长度 $27.19~\mu m$,最短染色体实际长度 $9.38~\mu m$,染色体长度比 2.77。核型类型 3B 型。As.K% 值 82.21。核型中第 1,2,4,5,6,7 和 10 组其同源染色体不等长,最长与最短同源染色体相差实际长度分别是 $2.15~\mu m$, $5.85~\mu m$, $3.18~\mu m$, $2.56~\mu m$, $1.33~\mu m$, $4.92~\mu m$ 和 $2.05\mu m$ 。

核型 E 图 2: E 图 3: E 组培试材

核型公式 2n=4x=48=5m+2sm+26st+15t. 染色体组实际总长度约 $147.33~\mu m$,最长 染色体实际长度 $18.97~\mu m$,最短染色体实际长度 $8.45~\mu m$ 。染色体长度比 2.25。核型 3B型。As.K%值 81.58。核型中第 1,2,3,6,8,9 和 12 组其同源染色体差异很大,最长与最 短染色体相差实际长度分别为 $2.14~\mu m$, $2.96~\mu m$, $1.33~\mu m$, $4.80~\mu m$, $1.33~\mu m$, $2.35~\mu m$ 和 $1.33~\mu m$ 。

2)中甸大雪山居群

核型A 图4: A 图5: A

核型公式 2n=2x=24=2m+8st+14t. 染色体组实际总长度约 $158.25~\mu m$,最长染色体实际长度 $23.58~\mu m$,最短染色体实际长度 $9.25~\mu m$ 。染色体长度比 2.55。核型类型 3B型。As.K.%值 84.14。核型中第 1、2、3、5 和 8 对其两同源染色体不等长,相差实际长度分别是 $5.19~\mu m$ 、 $3.78~\mu m$ 、 $1.50~\mu m$ 、 $1.61~\mu m$ 和 $2.17~\mu m$ 。

核型 B 图 4: B 图 5: B

核型公式 2n=2x=24=2m+1sm+9st+12t. 染色体组实际总长度约 $183.98~\mu m$,最长染色体实际长度 $28.64~\mu m$,最短染色体实际长度 $10.50~\mu m$ 。染色体长度比 2.73。核型类型 3B 型。As.K% 值 83.65。核型中第 1,2 和 11 对两同源染色体显著不等长,相差实际长度分别为 $6.81~\mu m$, $4.06~\mu m$ 和 $1.67~\mu m$ 。

核型 C 图 4: C 图 5: C

核型公式 2n=2x=24=2m+2sm+12st+8t. 染色体组实际总长度约 171.98 μ m,最长染色体实际长度 19.06 μ m,最短染色体实际长度 10.74 μ m。染色体长度比 1.78。核型类型 3A 型。As.K%值 82.78。核型中第 2 和 9 对两同源染色体不等长,相差实际长度分别为 1.57 μ m 和 1.45 μ m。

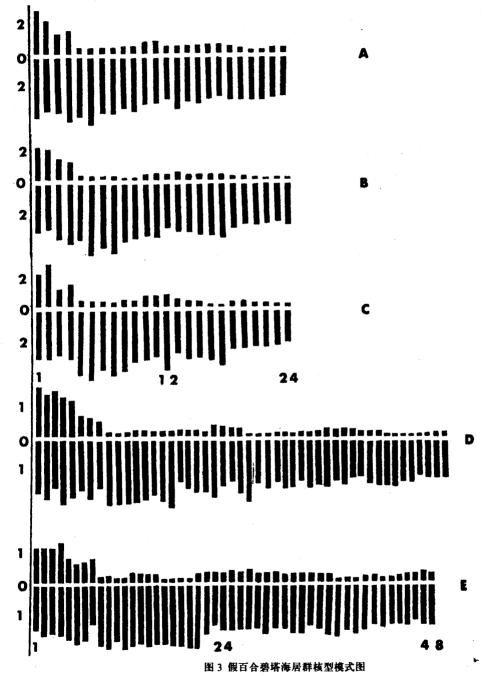


Fig. 3 The idiograms of Bitahai population from Zhongdian in *Notholirion bulbuli ferum*A. karyotype A; B. karyotype B; C. karyotype C; D. karyotype D; E. karyotype E

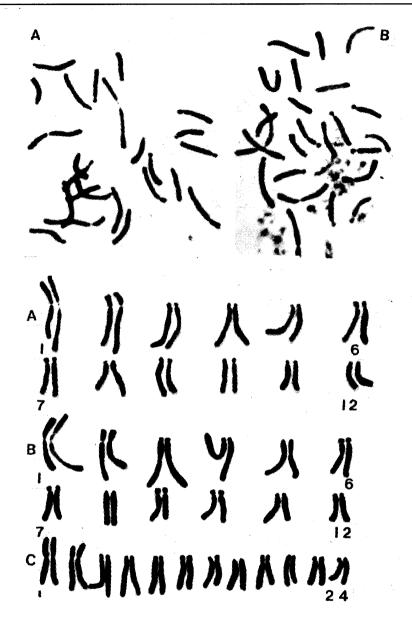


图 4 假百合大雪山居群中期染色体形态

Fig. 4 Photomicrographs of chromosomes at metaphase in root tip cells of Daxueshan population from Zhongdian in Notholirion bulbuli ferum

A. karyotype A (×1060); B. karyotype B (×840); C. karyotype C (×830)

2. 钟花假百合 N. campanutatum Cotton et Stearn

3) 宁蒗小雪山居群

核型A 图 6: A 图 7: A

核型公式 2n=2x=24=2m(2SAT)+2sm+8st(2SAT)+12t. 染色体组实际总长度约 $167.65~\mu m$,最长染色体实际长度 $22.62~\mu m$,最短染色体实际长度 $9.29~\mu m$ 。染色体长度

比 2.43。核型类型 3B 型。As.K% 值 81.33。核型中第 1 对染色体 (m) 短臂近着丝粒处有一居间随体,第 9 对染色体 (st) 长臂上有一次缢痕。第 2 对两同源染色体不等长,相差实际长度 $1.31~\mu m$ 。

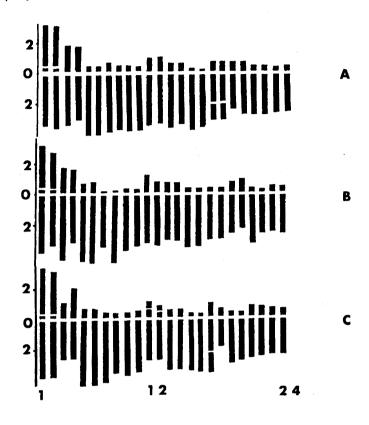


图 5 假百合大雪山居群核型模式图

Fig. 5 The idiograms of Daxueshan population from Zhongdian in *Notholirion bulbuli ferum*A. karyotype A; B. karyotype B; C. karyotype C

核型 B 图 6: B 图 7: B 组培试材

核型公式 2n=2x=24=2m(2SAT)+4sm+6st+12t. 染色体组实际总长度约 145.14 μ m,最长染色体实际长度 17.11 μ m,最短染色体实际长度 8.00 μ m。染色体长度比 2.14。核型类型 3B 型。As.K% 值 81.32。核型中第 1 对染色体短臂靠近着丝粒处有一居间随体,第 6 和第 10 对各有一同源染色体变异为 sm。第 1, 2, 4 和 11 对两同源染色体不等长,相差实际长度分别为 1.11 μ m, 4.88 μ m, 4.78 μ m 和 1.56 μ m。

核型 C 图 7: C

核型公式 2n=2x=24=3m(2SAT)+sm+8st(3SAT)+12t. 染色体组实际总长度约 $156.88~\mu m$,最长染色体实际长度 $22.71~\mu m$,最短染色体实际长度 $9.41~\mu m$ 。染色体长度比 2.41。核型类型 3B型。As.K%值 79.69。核型中第 1 对染色体 (m) 短臂紧靠着丝粒处有一居间随体,第 2 对两同源染色体短臂相差实际长度 $1.88~\mu m$,分别为 m 和 sm。第 9 对一同源染色体长臂在次缢痕附近发生断裂后缺失或易位,减少实际长度约 $3.53~\mu m$,第

6 对染色体短臂上有一次缢痕。

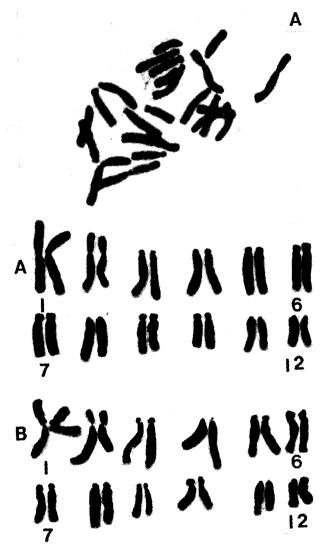


图 6 钟花假百合小雪山居群中期染色体形态

Fig. 4 Photomicrographs of chromosomes at metaphase in root tip cells of Xiaoxueshan population from Ninlang in Notholirion campanulatum

A. karyotype A (×840); B. karyotype B (×900, culture)

4)维西维登居群

核型C 图8: A 图9: A 组培试材

核型公式 2n=2x=24=2m+1sm+9st(2SAT)+12t. 染色体组实际总长度约 169.06 μ m,最长染色体实际长度 20.67 μ m,最短染色体实际长度 10.00 μ m。染色体长度比 2.07。核型类型 3A 型。As.K% 值 82.15。核型中第 2 对一同源染色体为 sm,另一同源染色体为 st,且两长臂相差实际长度约 2.00 μ m。第 6 对染色体 (st) 短臂上有一次缢痕。

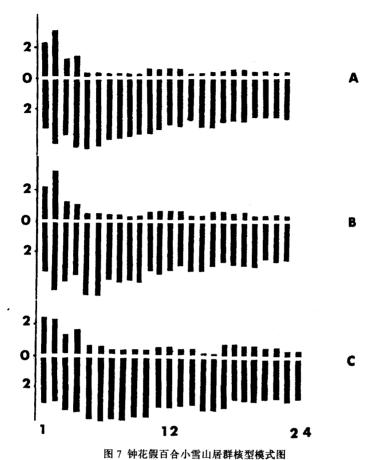


Fig. 7 The idiograms of Xiaoxueshan population from Ninlang in Notholirion campanulatum

核型B 图8: B 图9: B 组培试材

核型公式 2n=2x=24=2m+3sm+8st(SAT)+11t. 染色体组实际总长度约 $176.44~\mu m$,最长染色体实际长度 $23.93~\mu m$,最短染色体实际长度 $10.06~\mu m$ 。染色体长度比 2.38。核型类型 3B 型。As.K% 值 81.62。核型中第 1 对染色体 (m) 两同源染色体相差实际长度约 $1.84~\mu m$,第 2 对一同源染色体为 sm,另一同源染色体为 st,且两长臂相差实际长度约 $2.09~\mu m$ 。第 7 对染色体 (sm) 两同源染色体长臂相差实际长度约 $1.33~\mu m$ 。第 6 对一同源染色体 (st) 短臂上有一次缢痕,另一同源染色体短臂在次缢痕处断裂而缺失或易位为 t,两同源染色体相差实际长度约 $3.19~\mu m$ 。第 3 对和第 11 对两同源染色体不等长,相差实际长度分别为 $3.19~\mu m$ 和 $2.21~\mu m$ 。

A. karyotype A; B. karyotype B; C. karyotype C

5) 贡山东哨房居群

核型A 图 10: A 图 12: A

核型公式 2n=2x=24=4m(2SAT)+10st(4SAT)+10t. 染色体组实际总长度约 126.81 μ m,最长染色体实际长度 15.01 μ m,最短染色体实际长度 7.48 μ m。染色体长度比 2.01。核型类型 3B 型。As.K% 值 81.28。核型中第 1 对染色体 (m) 短臂紧靠着丝粒处有

一居间随体,第 7 对 (st) 和 8 (st) 对染色体长臂上各有一次缢痕。第 1、2、3 和 10 对两同源染色体不等长,相差实际长度分别是 $1.12~\mu m$ 、 $1.84~\mu m$ 、 $1.02~\mu m$ 和 $1.53~\mu m$ 。

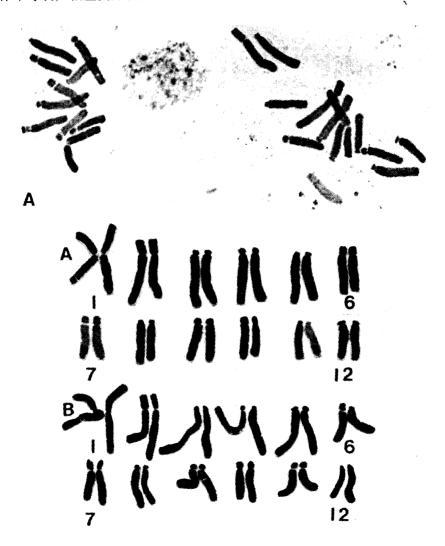


图 8 钟花假百合维登居群中期染色体形态

Fig. 8 Photomicrographs of chromosomes at metaphase in root tip cells of Viden population from Vixi in

Notholirion campanulatum

A. karyotype A (×900, culture); B. karyotype B (×820, culture)

核型B 图 10: B 图 12: B

核型公式 2n=2x=24=2m(2SAT)+2sm+6st+14t. 染色体组实际总长度约 155.67 μ m,最长染色体实际长度 20.09 μ m,最短染色体实际长度 9.18 μ m。染色体长度比 2.19。核型类型 3B 型。As.K%值 81.76。核型中第 1 对染色体 (m) 短臂紧靠着丝粒处有一居间随体,第 8 对染色体 (st) 长臂上有一次缢痕,第 2、3 和 10 对两同源染色体不等长,相差实际长度分别为 1.34 μ m、 2.06 μ m 和 1.55 μ m。

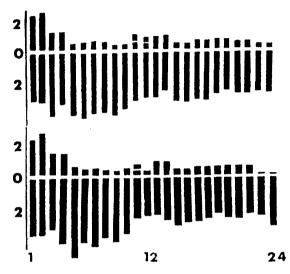


图 9 钟花假百合维登居群核型模式图

Fig. 9 The idiograms of Viden population from Vixi in Notholirion campanulatum

A. karyotype A; B. karyotype B

核型 C 图 10: C 图 12: C

核型公式 2n=3x=36=2m+3sm+10st(SAT)+21t. 染色体组实际总长度约 181.05 μm, 最长染色体实际长度 28.77 μm, 最短染色体实际长度 8.77 μm, 染色体长度比 3.28。核型类型 3B型。As.K%值 85.41。核型中,第1组两同源染色体为 m, 另一同源染色体为 sm, 第 2组两同源染色体为 sm, 另一同源染色体为 st 且长臂紧靠着丝粒处有一次缢痕。第 6、7 和 8 组染色体为 st, 第 3、4、5、9、10、11 和 12 组染色体为 t。每组染色体中有 1 条同源染色体与其它 2 条同源染色体显著不等长,仅第 10 和 12 组其 3 条同源染色体基本等长。

核型D 图11: D 图12: D

核型公式 2n=3x=36=3m+2sm+13st+18t. 染色体组实际总长度约 $163.84~\mu m$,最长染色体实际长度 $25.58~\mu m$,最短染色体实际长度 $8.84~\mu m$ 。染色体长度比 2.89。核型类型 3B 型, As.K% 值 82.73。核型中,第 1 组染色体为 m,第 2 组 2 条同源染色体为 sm,另一条为 st,第 6、7、8 和 10 组染色体均为 st,第 3、4、5、9、11 和 12 组染色体均为 t。第 4、7、10 和 11 组其三条同源染色体基本等长。第 1、2、5、6、8 和 9 组中各有一条同源染色体与其它 2 条同源染色体不等长。



图 10 钟花假百合东哨房居群中期染色体形态

Fig. 10 Photomicrographs of chromosomes at metaphase in root tip cells of Dongshaofang population from Gongshan in Notholirion campanulatum

A. karyotype A $(2x = 24, \times 1000)$; B. karyotype B $(2x = 24, \times 970)$; C. karyotype C $(3x = 36, \times 730)$

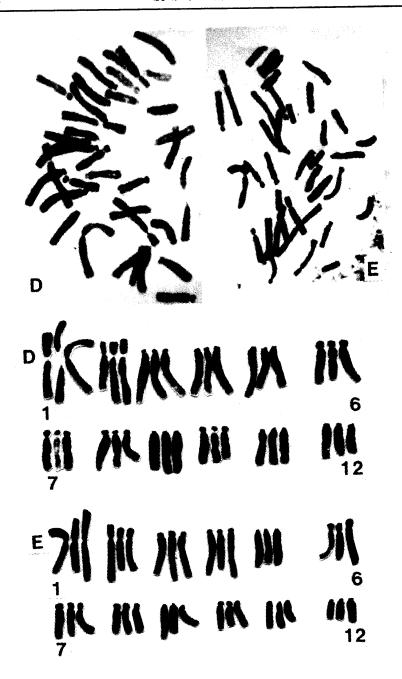


图 11 钟花假百合东哨房居群中期染色体形态

Fig. 11 Photomicrographs of chromosomes at metaphase in root tip cells of Dongshaofang population from Gongshan in Notholirion campanulatum

D. karyotype D $(3x = 36, \times 860)$; E. karyotype E $(3x = 36, \times 710)$

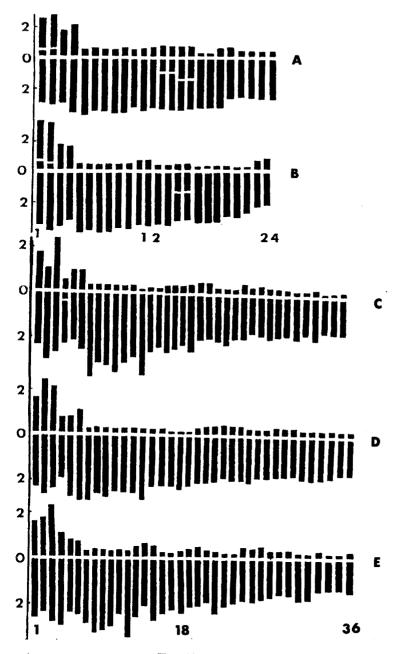


图 12 钟花假百合东哨房居群核型模式图

Fig. 12 The idiograms of Dongshaofang population from Gongshan in *Notholirion campanulatum*A. karyotype A (2x = 24); B. karyotype B (2x = 24); C. karyotype C (3x = 36); D. karyotype D (3x = 36); E. karyotype E (3x = 36)

核型E 图11: E 图12: E

核型公式 2n=3x=36=3m+2sm+13st+18t. 染色体组实际总长度约 $160.52~\mu m$,最长 染色体实际长度 $25.63~\mu m$,最短染色体实际长度 $7.18~\mu m$,染色体长度比 3.57。核型类型

3B型, As.K%值 82.32。核型中,第 5、7、8 和 10 组其 3 条同源染色体基本等长,第 1、2、3、4、6、9、10 和 12 组各有 1 条同源染色体与其它 2 条不等长。该核型染色体形态特征与 D 有所不同。

讨论

1. 假百合属的核型特征

 $N.\ bulbuli\ ferum\ n\ N.\ campanulatum\ 的间期核均为复杂中央微粒型,前期染色体属于中间型,与前人的报道一致 <math>^{[7]}$ 。 2 种假百合核型类型大多数为 3B 型,少数为 3A 或 3C 型。染色体组实际总长度 $131.90-172.75\ \mu m$,染色体长度比 1.87-2.85, As.K% 值 74.65-85.37。通常,核型中有 2 对 m 或 sm 染色体,即第 1 和第 2 对,或是第 1 和第 3 对 (6);有 2—7 对 st 染色体,有 3—10 对 t 染色体。大多数核型中第 1、2、3、8 和 11 对 其同源染色体明显不等长,呈现结构杂合性。

表 2 2 种假百合居群的核型特征

核型特征	Notholirion bulbuliferum			Notholirion campanulatum				
karyotypical	中甸碧塔 中甸大雪		陕西秦岭	宁蒗小雪	维西维	大理苍	贡山东哨	
characters	海居群	山居群	太白山 [6]	山居群	登居群	山 ^{〔7〕}	居	群
	2x	2x	2x	2x	2x		2x	3x
染色体 范围	145.58	135.20-	-	145.14—	169.06—		126.81—	160.52—
组实际 (μm)	167.84	183.71		167.65	176.44		155.67	181.05
总长度 平均	152.95	157.71	131.90	156.56	172.75		136.54	158.53
染色体 范围	1.88-2.90	1.76—2.53		2.14-2.44	2.07-2.38		1.79—2.26	2.21-3.57
长度比值 平均(μm)	2.39	2.08	2.59	2.24	2.23	1.87	2.11	2.85
As.K. 范围值(%)	81.34—	82.78—		79.69—	81.71—		81.28—	82.32—
	84.11	84.14		81.33	82.15		82.83	85.41
平均	82.52	83.36	85.37	80.04	81.70	74.65	81.83	83.46
不等长同源	1,2,3	1,2,3	1,2,3	1,2,4	1,2,3		1,2,10	1,2,3,4,
染色体序号	7,8,12	5,8,11		8,11	6,7,9,11			5,6,9,11
	3 B	3B			3B			
核型类型	少数	少数	3C	3B	少数	3 A	3B	3 B
	3A	3A			3A			
次缢痕数	0	0	0	2—5	12	4	46	0-1

Table 2 The karyotypical characters in populations in two species of Notholirion Well ex Boiss

2. N. bulbuliferum 与 N. campanulatum 的核型差异

前者染色体组实际总长度 $131.90-157.71~\mu m$,后者 $136.54-172.75~\mu m$ 。前者染色体长度比 2.08-2.59,后者 1.87-2.85。前者 As.K% 值 82.52-85.37,后者 74.65-83.46。明显地,后者的核型参数的变幅大于前者。前者未发现次缢痕,后者在 m 或 st 染色体短臂或长臂上发现有次缢痕。前者仅有二倍体,后者既有二倍体又有三倍体。故此,N. campanulatum 的种内变异大于 N. bulbuli ferum 的,即 N. campanulatum 的种内分化比 N. bulbuli ferum 的更剧烈。

3. 假百合属核型多态性

N. bulbuli ferum 和 N. campanulatum 的核型多态性主要表现为各居群内不同个体的核型公式有差异;第 1,2,3,5,7,8,11 和 12 对染色体变异显著,染色体类型多变,且同源染色体不等长的程度各异;染色体长度比变异较大。N. campanulatum 贡山东哨房居群内既有二倍体又有三倍体,其核型多态性最为丰富。详见表 2。

4. 假百合属核型多型性

核型多型性主要表现为种内居群间核型的差异,具体表现为种内各居群核型特征的不同(表 2)。例如,N. bulbuliferum 种内,陕西秦岭太白山假百合(2n=2x=24=2m+2sm+20t)^[7] 分化突出,与云南中甸碧塔海居群和大雪山居群差异明显。太白山假百合染色体组实际总长度最小,仅 131.90 μ m;核型不对称性最高,3C 型,As.K% 值高达85.37,染色体长度比 2.59;核型中有 10 对 t 染色体,无 st 染色体。N. campaanulatum 居群间分化明显。

核型多型性突出。大理苍山钟花假百合 (2n=2x=24=2m(2SAT)+2sm+14st(2SAT)+6t)核型对称性较强,3A型,As.K%值74.65,染色体长度比1.87,不等长同源染色体也最小。而贡山东哨房居群中二倍体和三倍体,其核型不对称性较强,3B型,As.K%值分别为81.83和83.46,染色体长度比分别为2.11和2.85,不等长同源杂色体最多,染色体类型变异也较突出,尤其三倍体。该居群较之其它居群分化最剧烈。N. campanulatum的核型多型性还表现为各居群核型的次缢痕数不一致。

5. 假百合属组培材料的特点

假百合属植物其小鳞茎经过组织培养后,易发生染色体倍性和结构变异。两类变异的 频率远远超出自然居群。离体条件频发的染色体畸变表明假百合属植物外植体具有较高的 染色体畸变的潜能。与自然居群材料相比,组培核型的 As.K% 值有增大的趋势。本文出示的维西维登居群的组培核型,是相对较稳定、结构变异程度较低的代表。

综上所述,假百合属植物的核型具有多样性。1)染色体倍性变异, N. campanulatum 贡山东哨房居群中既有二倍体,也有三倍体。在人工组培条件下,假百合染色体数目变异的机率增大,染色体加倍现象明显增加,并有四倍体细胞形成。2)染色体结构变异,假百合属植物经常发生染色体结构变异,核型中第1,2,3,5,8 和11 对染色体变异较大,且其同源染色体明显不等长,呈现结构杂合性。其中,三倍体核型中染色体发生结构变异的程度最高,其同源染色体不等长的数目最多且不等长的程度也最大。看来,N. campanulatum 三倍体在其形成前,形成中和形成后,其染色体结构变异一直在发生,将来也还要继续发生。3)核型类型多样性,假百合属植物大多数核型为 3B型,但也存在3A型或 3C型。大家公认的,核型不对称性增强是一种进化现象。但在假百合属植物中从核型 3B型变异为 3A型,这种"逆转"也应视为一种进化现象。4)核型公式多样性,假百合属植物核型公式变异较大。

可以认为,分布于喜马拉雅-中国西南区的假百合属植物,一直受到造山运动的影响,染色体系统极不稳定,种间分化较明显,种内分化剧烈,居群内存在丰富的染色体多态性,居群间存在明显的核型多型性。假百合属植物的进化,可以通过减数分裂重组提供进化素材;还可以通过体细胞染色体倍性变异和染色体结构变异提供进化素材,并依靠所特有的无性繁殖优势,以主鳞茎和数以百计的小鳞茎来加以固定。假百合属植物将继续以这两种方式不断进化下去。

参考文献

- [1] 汪发缵, 唐 进, 中国植物志14卷, 北京, 科学出版社, 1980, 165-166.
- [2] 梁松筠. 百合科(狭义)植物的分布区对中国植物区系研究的意义.植物分类学报,1995,33(1):27-51.
- [3] 汤彦承,梁松筠,中国百合科的系统梗概及对今后研究的一些意见,植物研究,1983,3(2):56—72,
- [4] 吴征镒,李 恒,杨崇仁,百合族的细胞地理学及各属间系统关系,云南植物研究,1994,增刊 VI,101—112.
- [5] Darlington C D, Wylie A P. Chromosome atlas of flowering plants. London:George Allen & Unwin LTD, 1955, 358—359.
- [6] 徐炳声, 刘 琰, 陈铁山. 假百合核型的研究. 广西植物, 1986. 6(1-2): 95-98.
- [7] 王 丽, 顾志建, 龚洵等. 百合科6属15种植物的细胞学研究. 植物分类学根, 1993, 31(6): 549--559.
- [8] 朱澂等. 植物染色体及染色体制片技术. 北京: 科学出版社。1982.
- [9] 李懋学, 陈瑞阳. 关于植物核型分析的标准化问题. 武汉植物学研究, 1985, 3(4): 297-302.
- [10] Stebbins G L. Chromosomal evolution in higher plants. London: Edward Arnol, 1971. 87-90.
- [11] Arano H. Cytological studies in Subfamily Carduoideae (Compositae) of Japan, IX. The karyotype analysis and phylogenetic consideration on Pertya and Ainsliaea (2). Bot Mag Tokyo, 1963, 76:32—39.
- [12] Tanaka R. Types of resting nuclei in Orchidaceae. Bot Mag Tokyo, 1971,84: 118-122.
- [13] Tanaka R. Recent karyotype studies. In: Okawa K et al. (eds) Plant cytology. Asakura shoten, Tokyo. 1977. 293—326.